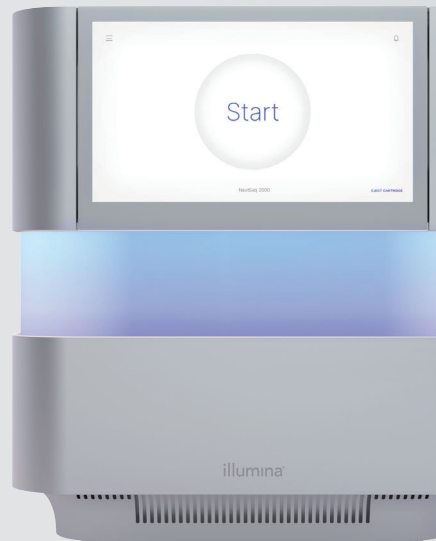


次世代シーケンサー

NextSeq™ 1000/2000 システム

さまざまなアプリケーションに対応する試薬ラインアップと、高精度二次解析を可能にする DRAGEN を搭載した、コスト効率に優れた画期的なベンチトップシーケンサー



- 試薬、流路、廃液ホルダーが一体化されたカートリッジで優れた操作性
- 内蔵された DRAGEN™ による高精度な二次解析までのシームレスなワークフロー

NextSeq 1000/2000 シーケンスシステムは、光学、装置設計、試薬ケミストリーの最新の進歩を活用して、高出力化と低コスト化を同時に実現します。さらに、標準 SBS (Sequencing By Synthesis) より高速かつ高品質で、よりロバストな SBS ケミストリーである XLEAP-SBS™ ケミストリーを採用。これにより、研究の規模と対象範囲を拡大するために必要なスループット、データ品質、コストのすべてを 1 台のベンチトップ型シーケンスシステムで手に行うことができます。



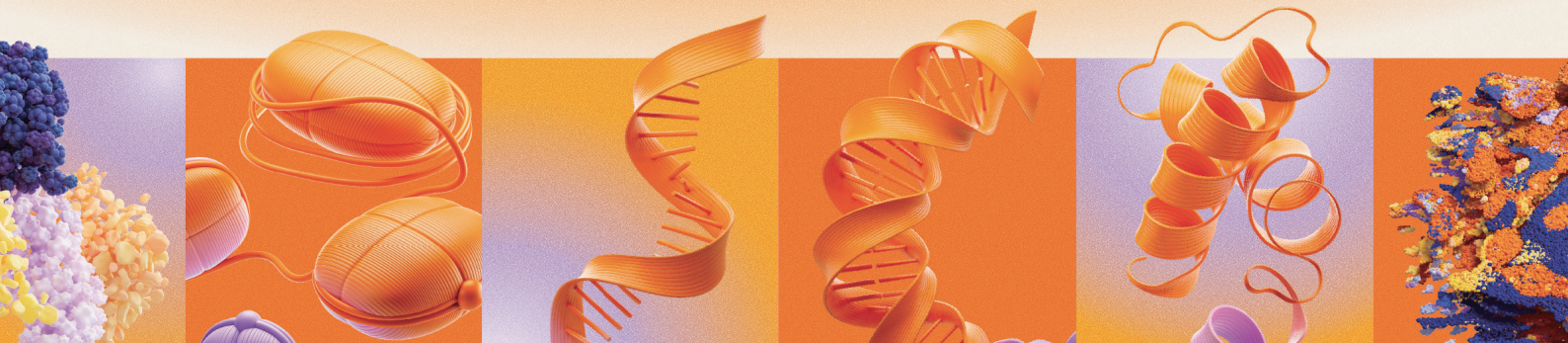
NextSeq 1000/2000 シーケンスシステムのパフォーマンス

| 対応システム | NextSeq 1000 および 2000 | | | NextSeq 2000 |
|--|--------------------------------|--------------------------------|---------------------------------|---------------------------------|
| | P1 XLEAP-SBS キット (1 億クラスター) | P2 XLEAP-SBS キット (4 億クラスター) | P3 XLEAP-SBS キット (12 億クラスター) | P4 XLEAP-SBS キット (18 億クラスター) |
| リード長 | フローセルあたりの出力とランタイム | | | |
| 1 × 50 bp | | | | 90 Gb (12 時間) |
| 2 × 50 bp | 10 Gb (8 時間) | 40 Gb (12 時間) | 120 Gb (18 時間) | 180 Gb (20 時間) |
| 2 × 100 bp | | 80 Gb (19 時間) | 240 Gb (31 時間) | 360 Gb (34 時間) |
| 2 × 150 bp | 30 Gb (17 時間) | 120 Gb (22 時間) | 360 Gb (40 時間) | 540 Gb (44 時間) |
| 2 × 300 bp | 60 Gb (34 時間) | 240 Gb (42 時間) | | |
| | クオリティスコア | | | |
| 1 × 50 bp, 2 × 50 bp, 2 × 100 bp, 2 × 150 bp | Q30 以上の塩基が 90% 以上 | | | |
| 2 × 300 bp | Q30 以上の塩基が 85% 以上 | | | |

ライブラリー調製から解析までの直感的なワークフロー

| 管理 | 調製 | シーケンス | データ解析 | 監視 |
|--|---|---|--|-----------------------------------|
| クラウドベースのオプションと手動オプションで、サンプルの追跡とランの管理を簡単に効率よく行う | さまざまなアプリケーションに対応した種々のライブラリー調製キットを利用して、ライブラリーを調製する | 調製済みのライブラリーをシーケンスカートリッジにロードし、NextSeq 1000/2000 システムにセットする | 内蔵された DRAGEN Bio-IT Platform を使用して解析するか、クラウドにデータを送信してさらに柔軟に解析を行う | Proactive 装置性能サービスによってラボの効率を向上させる |

イルミナマルチオミクスライブラリー調製キット 新製品お試しキャンペーン 2026



イルミナでは、マルチオミクスポートフォリオを拡大する新しいオミクス解析製品のリリースを続けています。このたび、新製品 Illumina 5-Base DNA Prep をお得にお試しいただけるキャンペーンをご紹介します。有効期間をご確認の上、ご注文の際にプロモーションコードを販売代理店にお伝えいただき、ぜひお試しください。

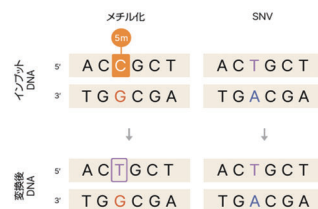
Illumina 5-Base DNA Prep

1 回のアッセイでメチル化とゲノムバリエーションを検出する高効率キットを 30% オフで

Illumina 5-Base DNA Prep は、新しい酵素法と最適化された解析アルゴリズムにより、1つのサンプル、1回のライブラリー調製、シーケンスランおよび解析までのワークフローで、5種類の塩基 (A, T, G, C および 5mC) を検出でき、ゲノムとメチロームの二つの洞察を高効率に提供します。

特徴

- 非メチルシトシンではなくメチル化シトシンを変換することで、ライブラリーの塩基多様性を維持して高効率シーケンスを実現すると同時に、ゲノムバリエーションコールを可能に
- シンプルなワークフローと専用の DRAGEN™ 二次解析で、総所要時間を大幅に短縮
- 全ゲノム版とターゲットシーケンス版をご用意。NovaSeq™ を用いた網羅的解析と NextSeq™ でも可能なコンパクト解析を目的に応じて選択可能



対象製品：以下の表を参照ください。

条件：対象製品各 1 点まで、30% オフの割引を適用いたします。*ご利用は 1 回のみとなります。

期間：2026 年 9 月 30 日 (水) まで (当日中に弊社で受注した分までに適用)

プロモーションコード：ILMN5B40

| カタログ番号 | 製品名 | 希望販売* 価格 (円) | キャンペーン 適用価格 (円) | サンプル 単価 (円) |
|----------|--|-----------------|--------------------|----------------|
| 20140364 | Illumina 5-Base DNA Prep (24 Samples) | 396,900 | 277,830 | 11,577 |
| 20140366 | Illumina 5-Base DNA Prep with Enrichment (24 Samples) | 567,700 | 397,390 | 16,558 |
| 20091654 | Illumina DNA/RNA UD Indexes Set A, Tagmentation (96 Indexes, 96 Samples) | 90,800 | 63,560 | 662 |
| 20091656 | Illumina DNA/RNA UD Indexes Set B, Tagmentation (96 Indexes, 96 Samples) | 90,800 | 63,560 | 662 |
| 20091658 | Illumina DNA/RNA UD Indexes Set C, Tagmentation (96 Indexes, 96 Samples) | 90,800 | 63,560 | 662 |
| 20091660 | Illumina DNA/RNA UD Indexes Set D, Tagmentation (96 Indexes, 96 Samples) | 90,800 | 63,560 | 662 |
| 20098166 | Illumina® Unique Dual Indexes, LT (48 Indexes, 48 Samples) | 62,400 | 43,680 | 910 |

* 2026 年 4 月 16 日時点の価格です。価格は希望販売価格で参考価格です。価格は税抜きです。

イルミナ株式会社

〒108-0014 東京都港区芝5-36-7 三田ベルジュビル22階

Tel (03)4578-2800 Fax (03)4578-2810

jp.illumina.com

本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。 販売条件： jp.illumina.com/tc

© 2026 Illumina, Inc. All rights reserved.

すべての商標および登録商標は、Illumina, Inc または各所有者に帰属します。

商標および登録商標の詳細は jp.illumina.com/company/legal.html をご覧ください。

予告なしに仕様および希望販売価格を変更する場合があります。

illumina®