

研究受託サービス

がんゲノム医療の未来へ

About Us

私たちアクトメッドは、**国内ラボ**においてNGS解析を実施し、技術提携先ACTGenomics社の経験・ノウハウを活用した**精度の高い**ゲノミクスデータをお届けしています。先生方のご研究に対して、**解析手法の提案、データ報告、更に、その後も安心してご利用・ご相談頂けるようにサポート体制を整えて**おります。

ACTGenomics社は、がんゲノム領域で台湾、英国、日本を中心に研究機関とプロジェクトを展開、多くのグローバル/バイオ製薬企業ともパートナーシップを締結し、がんゲノムの基礎から臨床まで幅広い分野で最先端の技術を提供しております。

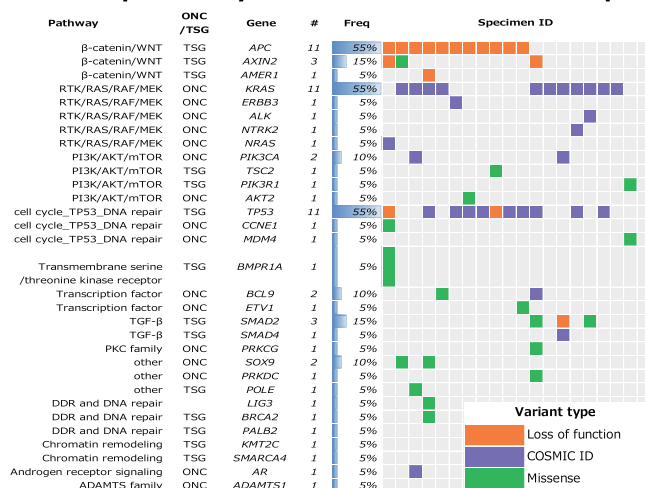
私たちは、がんゲノム研究における様々なニーズに応え、**がん遺伝子パネル**に加えて、国内各社と連携し全ゲノム解析からRNA-seq、創薬における各種分析まで、幅広く**One-Stop**で対応するサービスを展開し**がんゲノム医療の発展**に貢献する事を目指しております。

ACTOnco+ 遺伝子パネル解析結果例

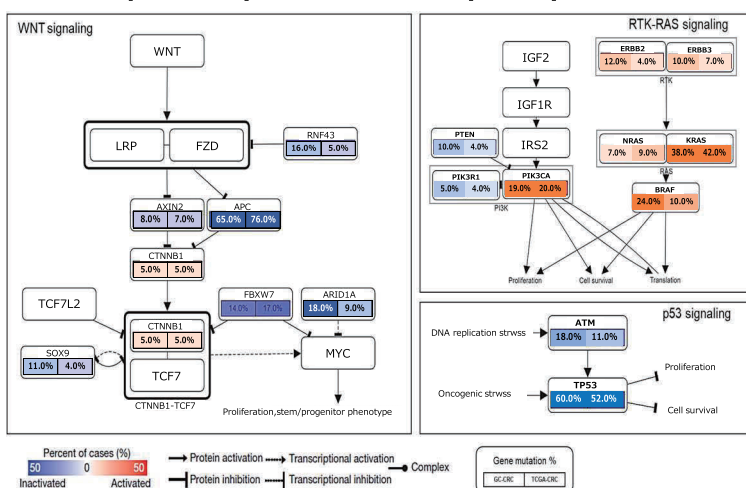
① Original Sequencing Data (Expert-curated)

Variant id	Chr pos	Gene	Chromo some	Exon	NM ID	HGVSc desc	HGVSp desc	Total depth	Variant frequency	COSMIC id	Consequences	Variant counts	Reference counts	HGVSp desc shorten
ABL1_chr9_133760827_G>A	9:133760827	ABL1	9	11	NM_005157	c.3150G>A	p.Met1050Ile	427	0.059	-	missense_variant	25	402	p.M1050I
ERBB2_chr17_37868208_C>T	17:37868208	ERBB2	17	8	NM_004448	c.929C>T	p.Ser310Phe	2090	0.14	COSM48358	missense_variant	292	1798	p.S310F
EGFR_chr7_55259515_T>G	7:55259515	EGFR	7	21	NM_005228	c.2573T>G	p.Leu858Arg	3402	0.286	COSM6224	missense_variant	973	2429	p.L858R
ABL1_chr9_133760827_G>A	9:133760827	ABL1	9	11	NM_005157	c.3150G>A	p.Met1050Ile	427	0.059	-	missense_variant	25	402	p.M1050I
ERBB2_chr17_37868208_C>T	17:37868208	ERBB2	17	8	NM_004448	c.929C>T	p.Ser310Phe	2090	0.14	COSM48358	missense_variant	292	1798	p.S310F
EGFR_chr7_55259515_T>G	7:55259515	EGFR	7	21	NM_005228	c.2573T>G	p.Leu858Arg	3402	0.286	COSM6224	missense_variant	973	2429	p.L858R

② In-depth analysis I – Mutational landscape



③ In-depth analysis II – Pathway analysis





ACT Onco® +

組織由来のDNAを用いたがん関連440遺伝子の全Exon領域解析とRNAを用いた融合遺伝子の検出

- ✓ 網羅的遺伝子変異解析により、がんの新規Pathway探索やがんの特殊性・病理的諸性状に絡めたクラスター解析を実施したい
- ✓ Driver mutationによる免疫応答への影響など腫瘍免疫とゲノム変化に着目した解析をしたい
- ✓ 薬物応答と関連するDNA配列の変異に関するゲノム薬理学の研究を実施したい



ACT Monitor® +

血液中のctDNAを用いて、TKIなど抗がん剤の奏功に関与する50遺伝子の変異検出

- ✓ Liquid Biopsyにより治療抵抗性遺伝子に注目し治療選択の有用性を検証したい
- ✓ 遺伝子変異・VAFに着目し、治療効果のモニタリングを複数回実施したい
- ✓ がんの薬剤耐性獲得や転移と関連した腫瘍内のClonal Evolutionに注目し、治療や予後に大きく影響を及ぼす因子の探索をしたい



ACT Risk™

全血由来のDNAを用いて、遺伝性腫瘍に関連する67遺伝子の全Exon領域解析

- ✓ 予防医学の観点から遺伝医療に着目し、エビデンスを蓄積するための研究を実施したい
- ✓ 生活習慣、環境要因などと結び付けた遺伝性腫瘍発症のメカニズムを解明したい
- ✓ 遺伝性腫瘍に関連する新規遺伝子の探索をしたい



ACT BRCA®

組織/血液由来のDNAを用いて、BRCA1 と BRCA2 の全Exon領域解析

- ✓ 遺伝性乳癌卵巣癌の原因となるBRCA1 と BRCA2 の遺伝子変異が与える発がんへの影響と薬剤耐性・感受性の関連を解明したい
- ✓ プラチナ製剤などの抗がん剤治療抵抗性を獲得するメカニズムの解明をしたい

ACT Fusion™

ACT Drug® +

ACT HRD™

融合遺伝子検出のみを対象とした解析やPARP阻害剤に関連したDNA修復遺伝子をセレクトしたものなど研究ニーズの高いパネルも取り揃えております。是非ご相談下さい。

解析サービス例

☆全ゲノム解析

☆RNA-seq

☆WGBS (全ゲノムバイサルファイトシーケンス)

☆ATAC-seq

☆ChIP-seq

☆DNAマイクロアレイ、microRNA網羅的解析 etc

☆全エクソーム解析

☆DNA メチル化アレイ解析

☆RRBS

☆データ解析

がんゲノム解析をご検討の際には、是非、ご相談・お問い合わせください

* サービス内容等については変更する場合がございます



アクトメッド株式会社
〒103-0023
東京都中央区日本橋本町3-11-5-605
Tel: 03-3527-3595 Fax: 03-3527-3596
E-mail: info@actmed.jp



MFLBD2303-01